



8 e 9 de setembro de 2016
Instituto Superior Técnico

8º Simpósio Nacional de Informática

Apelo a submissões para a sessão de

Bioinformática

O INForum é um evento privilegiado de reunião da comunidade nacional nas diversas vertentes da informática, bem como um fórum de eleição para a divulgação, discussão e reconhecimento de trabalhos científicos e avanços tecnológicos em informática. O INForum orgulha-se de ser um palco especializado para promover, por um lado, o intercâmbio de conhecimento e experiência entre a academia e a indústria e, por outro lado, a estreia de jovens investigadores que procuram a divulgação, a crítica construtiva e o encorajamento ao seu trabalho.

O INForum inclui um conjunto de sessões em áreas relevantes da informática, de comprovado interesse e dinamismo no espaço académico e industrial nacional. Todas as sessões do INForum são propostas e selecionadas anualmente, promovendo-se assim o fortalecimento e evolução da informática no país e a reunião de investigadores em áreas emergentes. Mais informações sobre esta edição do INForum estão disponíveis em <http://inforum.org.pt/INForum2016>

Nesta edição o INForum contará com uma sessão na área de **Bioinformática**. Os tópicos relevantes para a mesma e a sua Comissão de Programa estão no final deste documento.

Submissão e Publicação

Solicita-se a submissão de trabalhos originais em tópicos relacionados com a sessão acima referida. Nesta edição do INForum serão aceites dois tipos de submissões:

Artigos, apresentando resultados de trabalho de investigação científica realizado em contexto académico ou industrial, com no máximo **12 páginas em formato Springer LNCS, em língua portuguesa ou inglesa**, os quais serão alvo de um processo de revisão seletivo pela Comissão de Programa da sessão respetiva e constarão nas atas;

Comunicações, que têm como objetivo permitir a divulgação de uma forma mais expedita e informal de trabalho de I&D desenvolvido na comunidade, e cuja aceitação será decidida pelos responsáveis da Comissão de Programa da sessão respetiva, com base na submissão de **resumos estendidos com no máximo 2 páginas**, que não constarão nas atas.

As **submissões aceites** terão direito a espaço de exposição para afixação de **poster e/ou demonstração de ferramentas**, condicionado a eventuais limitações de espaço. As comunicações terão um tempo de **apresentação oral** mais curto do que os artigos.

Datas

1-jun-2016: submissão de resumos de artigos

8-jun-2016: submissão de artigos

27-jun-2016: notificação aos autores dos artigos

11-jul-2016: submissão dos artigos no formato final (*camera-ready*)

11-jul-2016: submissão de comunicações

18-jul-2016: notificação aos autores das comunicações

Bioinformática

Bioinformatics is a prominent interdisciplinary research area that began with the advances in Molecular Biology, in particular related to the sequencing of several genomes, including the Human Genome Project. Beyond its critical role in the field of Molecular Biology, Bioinformatics nowadays is also an essential component in biomedical and clinical research, particularly in the development of early diagnosis techniques, in the study of complex diseases, in the analysis of the efficacy of drugs or in the strain improvement of economic interest.

The increasing amount and diversification of data being generated by several high-throughput experimental techniques, together with the growing complexity of the problems arising in its analysis, has called for novel and scalable methods to tackle the deluge of biomedical information. The development of these methods poses important challenges in fields such as Artificial Intelligence, Information Systems, Computer Science, Signal and Image Processing, Statistics, Optimization, Privacy and Security, among several others that are within the confluence of Informatics.

The session welcomes submissions of papers in subfields of Bioinformatics related (but not restricted) to the following topics:

- Mining biomedical data: algorithms & applications
- Visualization techniques for biological data/networks
- Inference/verification of regulatory/metabolic networks
- Qualitative/Quantitative modeling and simulation of biological data
- Molecular evolution and phylogenetic analysis
- Semantic web and ontology-driven data integration methods
- Protein/RNA structure, molecular docking and drug design
- High-throughput data analysis: genomics, proteomics, transcriptomics or other omics
- Biological data management/integration techniques

Comissão de Programa

Pedro T. Monteiro, INESC-ID (co-chair)
Sara C. Madeira, INESC-ID/IST (co-chair)

Alexandra Carvalho, IT/IST-UL
Alexandre P. Francisco, INESC-ID/IST-UL
Ana T. Freitas, INESC-ID/IST-UL
Arlindo Oliveira, INESC-ID/IST-UL
Mário Silva, INESC-ID/IST-UL
Claudine Chaouiya, IGC
Francisco Couto, LASIGE/FC-UL
André Falcão, LASIGE/FC-UL
Ludwig Krippahl, CENTRIA/FCT-UNL
João A. Carriço, IMM/FM-UL
Joel Arrais, DEI/UC
Armando Pinho, DETI/UA
José Luís Oliveira, DETI/UA
Sérgio Matos, DETI/UA
Miguel Rocha, CCTC/UM
Rui Mendes, CCTC/UM
Susana Vinga, IDMEC
Rui Camacho, FE-UP
Vitor Costa, FC-UP
Matthias E. Futschik, CBME/CCMAR/UAlg